

## СОСТАВ И ЦЕНА РАБОТ, ПРОВОДИМЫХ В ЦКП ГЕНОМИКИ

п/п	Содержание	Цена, руб.
1	Секвенирование (MiniSeq, 300 циклов, 1 запуск)*	11 500,73
2	Секвенирование (MiniSeq, 150 циклов, 1 запуск)*	7 420,08
3	Секвенирование (MiniSeq, 75 циклов, 1 запуск)*	5 379,75
4	Секвенирование (HiSeq4000, 300 циклов, 1 из 8 дорожек)*	12 823,43
5	Секвенирование (HiSeq4000, 150 циклов, 1 из 8 дорожек)*	9 625,75
6	Секвенирование (HiSeq4000, 50 циклов, 1 из 8 дорожек)*	8 026,91
7	Подготовка шотган-библиотек геномной ДНК (1-12 образцов)*	45 634,53
8	Подготовка библиотек РНК (1-12 образцов)*	66 534,13
9	Подготовка библиотек с длинной вставкой (3-10 Кб, 1-12 образцов)*	66 817,24
10	Подготовка библиотек ампликонов (1-24 образца)*	39 448,63
11	Подготовка экзомных библиотек (1-12 образцов)*	91 081,88
12	Научно-исследовательская работа по теме «Анализ транскриптомного профиля макрофагов полученных из индуцированных плюрипотентных стромальных клеток»	1 000 000
13	Научно-исследовательская работа по теме «Проведение геномного и транскриптомного анализа с целью выявления эволюционной истории подсемейства полевоичных»	1 200 000
14	Научно-исследовательская работа по теме «Анализ структуры хроматина и уровней экспрессии при транс-взаимодействии хромосом и механизмов регуляции экспрессии тканеспецифичных амплифицированных генов методами ChIP-Seq и RNA-Seq»	1 200 000
15	Научно-исследовательская работа по теме «Анализ взаимодействий хроматина с помощью технологий секвенирования HiC-, ChIP- и РНК-библиотек»	700 000
16	Научно-исследовательская работа по теме «Секвенирование и анализ геномов и транскриптомов паразитических нематод»	1 200 000
17	Научно-исследовательская работа по теме «Проверка качества и секвенирование образцов Ribo-Seq и RNA-Seq из клеток с разным количеством Y-бокс-связывающих белков»	1 200 000
18	Секвенирование транскриптома жаберной ткани осетровых рыб	1 200 000

\*Цена не включают в себя стоимость расходных материалов. Данные расходы рассчитываются для каждого сервиса в индивидуальном порядке.