

СОСТАВ И ЦЕНА РАБОТ, ПРОВОДИМЫХ В ЦКП ГЕНОМИКИ

| п/п | Содержание | Цена, руб. |
|-----|--|------------|
| 1 | Секвенирование (MiniSeq, 300 циклов, 1 запуск)* | 11 500,73 |
| 2 | Секвенирование (MiniSeq, 150 циклов, 1 запуск)* | 7 420,08 |
| 3 | Секвенирование (MiniSeq, 75 циклов, 1 запуск)* | 5 379,75 |
| 4 | Секвенирование (HiSeq4000, 300 циклов, 1 из 8 дорожек)* | 12 823,43 |
| 5 | Секвенирование (HiSeq4000, 150 циклов, 1 из 8 дорожек)* | 9 625,75 |
| 6 | Секвенирование (HiSeq4000, 50 циклов, 1 из 8 дорожек)* | 8 026,91 |
| 7 | Подготовка шотган-библиотек геномной ДНК (1-12 образцов)* | 45 634,53 |
| 8 | Подготовка библиотек РНК (1-12 образцов)* | 66 534,13 |
| 9 | Подготовка библиотек с длинной вставкой (3-10 Кб, 1-12 образцов)* | 66 817,24 |
| 10 | Подготовка библиотек ампликонов (1-24 образца)* | 39 448,63 |
| 11 | Подготовка экзомных библиотек (1-12 образцов)* | 91 081,88 |
| 12 | Проверка целостности РНК с помощью капиллярного электрофореза (1-11 образцов) | 1 000,00 |
| 13 | Анализ распределения длин фрагментов ДНК с помощью капиллярного электрофореза (1-11 образцов) | 1 600,00 |
| 14 | Измерение концентрации НК с помощью флуориметрии | 104,00 |
| 15 | Фрагментация ДНК с помощью ультразвука | 1 000,00 |
| 16 | Биоинформатический анализ данных (включает, но не исчерпывается такими работами как проверка качества, картирование, сборка, анализ экспрессии, аннотация), 1 час работы | 2 500,00 |
| 17 | Научно-исследовательская работа по теме «Анализ транскриптомного профиля макрофагов полученных из индуцированных плюрипотентных стромальных клеток»** | 1 000 000 |
| 18 | Научно-исследовательская работа по теме «Проведение геномного и транскриптомного анализа с целью выявления эволюционной истории подсемейства полевочных»** | 1 200 000 |
| 19 | Научно-исследовательская работа по теме «Анализ структуры хроматина и уровней экспрессии при транс-взаимодействии хромосом и механизмов регуляции экспрессии тканеспецифичных амплифицированных генов методами ChIP-Seq и RNA-Seq»** | 1 200 000 |
| 20 | Научно-исследовательская работа по теме «Анализ взаимодействий хроматина с помощью | 700 000 |

| | | |
|----|---|-----------|
| | технологий секвенирования HiC-, ChIP- и РНК-библиотек»** | |
| 21 | Научно-исследовательская работа по теме «Секвенирование и анализ геномов и транскриптомов паразитических нематод»** | 1 200 000 |
| 22 | Научно-исследовательская работа по теме «Проверка качества и секвенирование образцов Ribo-Seq и RNA-Seq из клеток с разным количеством Y-бокс-связывающих белков»** | 1 200 000 |
| 22 | Работа «Секвенирование транскриптома жаберной ткани осетровых рыб»** | 1 200 000 |

*Цена не включает в себя стоимость расходных материалов. Данные расходы рассчитываются для каждого сервиса в индивидуальном порядке.

**Цена рассчитана исходя из стоимости работ, расходных материалов, накладных (10%), а также НДС (20%) в случае, когда это применимо.